

Supplemental Table 1 Baytek et al.

Source data for MRG-1::3xHA co-IP mass spectrometry. Anti-HA co-immunoprecipitations (co-IPs) targeting MRG-1::3xHA with subsequent LFQ mass spectrometry (IP-MS) to determine MRG-1 protein interactions. Wildtype (N2) with no HA tag was used as a negative control to eliminate background and mrg-1::3xHA (CRISPR/Cas9 generated) strain was used to identify MRG-1-interacting proteins. Enrichment of MRG-1 and its interaction partners between the IP and the control samples and their corresponding adjusted p value are listed. Statistics: t-test, adjusted P-value of 0.05 as false discovery rate cut-off.

name	ID	IP_vs_cont_p	IP_vs_cont_p	IP_vs_cont_p	IP_vs_cont_si	IP_vs_cont_	cont_centered	IP_centered
		.val	.adj	significant	gnificant	ratio		
mrg-1	Q9XWW2	2,84419E-18	1,09E-13	TRUE	TRUE	13	-6,83	6,21
CELE_F59E12.1	O01905	1,64228E-12	0,000000037	TRUE	TRUE	8,44	-4,42	4,02
CELE_F54D11.4	J3K004	2,89493E-14	5,78E-12	TRUE	TRUE	7,74	-4,05	3,68
smc-1	P55853	3,35221E-10	0,0000972	TRUE	TRUE	6,82	-3,57	3,25
CELE_ZK1127.3	Q23403	1,59532E-12	3,59E-08	TRUE	TRUE	6,67	-3,49	3,18
set-26	Q9U263	1,14011E-09	0,000369	TRUE	TRUE	5,51	-2,89	2,62
sin-3	A5JYW9	3,4043E-09	0,000993	TRUE	TRUE	5,47	-2,86	2,6
CELE_F52D2.7	Q9TXM6	1,47279E-11	0,0000152	TRUE	TRUE	5,27	-2,76	2,51
pme-5	Q9TXQ1-2	6,31162E-09	0,00151	TRUE	TRUE	5,15	-2,7	2,45
set-9	O44498	3,96286E-11	0,0000597	TRUE	TRUE	5,1	-2,67	2,43
athp-1	Q18605	6,5452E-07	0,0536	TRUE	TRUE	5,09	-2,67	2,42
sumv-2	Q22992	5,49049E-09	0,00139	TRUE	TRUE	4,41	-2,31	2,1
ogt-1	O18158	1,11311E-08	0,00242	TRUE	TRUE	4,23	-2,22	2,02
hda-1	O17695	6,00652E-09	0,00147	TRUE	TRUE	3,85	-2,02	1,83
mcd-1	B7FAS0	4,79184E-07	0,0447	TRUE	TRUE	3,52	-1,84	1,68
hecd-1	V6CIS4	9,18733E-07	0,0644	TRUE	TRUE	2,1	-1,1	0,998
his-1	P62784	0,001332739	0,689	FALSE	FALSE	4,67	-2,45	2,23
baf-1	Q03565	0,005340163	0,79	FALSE	FALSE	4,39	-2,3	2,09
CELE_F41H10.3	H2L025	4,24554E-06	0,131	FALSE	FALSE	4,26	-2,23	2,03
cfp-1	Q9XUE7	2,88765E-05	0,283	FALSE	FALSE	3,78	-1,98	1,8
his-11	P04255	0,000329034	0,554	FALSE	FALSE	3,58	-1,88	1,7
ubr-5	G5EDT9	0,000583986	0,613	FALSE	FALSE	3,44	-1,8	1,64
ran-3	Q18211	1,85031E-05	0,242	FALSE	FALSE	3,42	-1,79	1,63
rbd-1	Q9XU67	1,48209E-06	0,0816	FALSE	FALSE	3,38	-1,77	1,61
his-35	Q27485	0,002907718	0,75	FALSE	FALSE	3,08	-1,61	1,47
wdr-5.1	Q17963	2,25913E-05	0,259	FALSE	FALSE	3,05	-1,6	1,45
rbm-28	O62325	3,46528E-06	0,121	FALSE	FALSE	2,81	-1,47	1,34
metr-1	Q09582	2,29819E-05	0,261	FALSE	FALSE	2,8	-1,47	1,34
H2L0E1	H2L0E1	0,000339182	0,557	FALSE	FALSE	2,62	-1,37	1,25
CELE_Y66D12A.9	Q95PZ7	0,01589973	0,848	FALSE	FALSE	2,59	-1,36	1,23
CELE_Y14H12B.2	Q9TYP8	0,002992074	0,752	FALSE	FALSE	2,58	-1,35	1,23
nola-3	Q9XVR8	0,050579994	0,892	FALSE	FALSE	2,51	-1,32	1,2
T23D8.3	O02327	0,001490611	0,699	FALSE	FALSE	2,44	-1,28	1,16
C24H12.4	O17157	1,60102E-05	0,23	FALSE	FALSE	2,38	-1,24	1,13
R05G6.4	Q21755	0,000321069	0,551	FALSE	FALSE	2,38	-1,25	1,13
daf-16	AOA0K3AR63	1,65065E-06	0,0858	FALSE	FALSE	2,32	-1,22	1,11
cep-1	Q20646	0,001250576	0,684	FALSE	FALSE	2,3	-1,21	1,1
parp-1	Q9N4H4	0,004989644	0,786	FALSE	FALSE	2,26	-1,18	1,08
nath-10	O01757	4,18655E-06	0,13	FALSE	FALSE	2,25	-1,18	1,07
hsp-17	Q7JP52	0,00165221	0,707	FALSE	FALSE	2,21	-1,16	1,05
ppm-1.G	Q8MNS3	0,001430549	0,695	FALSE	FALSE	2,21	-1,16	1,05
CELE_T20F5.6	P91482	0,004308153	0,777	FALSE	FALSE	2,19	-1,14	1,04
CELE_T23G7.3	Q22705	0,00061071	0,618	FALSE	FALSE	2,18	-1,14	1,04
CELE_F53F4.11	Q20720	0,000116482	0,438	FALSE	FALSE	2,15	-1,13	1,02
CELE_K04G7.1	Q21234	0,000676585	0,628	FALSE	FALSE	2,14	-1,12	1,02
B0495.8	Q09217	0,005905895	0,796	FALSE	FALSE	2,11	-1,11	1,01
C37A2.7	O01504	0,001464227	0,697	FALSE	FALSE	2,11	-1,11	1,01
rpac-40	Q9UAY9	0,001252334	0,684	FALSE	FALSE	2,07	-1,08	0,984
C23G10.8	Q9GYR5	0,004280097	0,776	FALSE	FALSE	2,05	-1,07	0,976
pab-2	Q19579	0,000282635	0,538	FALSE	FALSE	2,05	-1,08	0,978
dtx-52	Q21736	0,000105514	0,427	FALSE	FALSE	2,03	-1,06	0,965
larp-1	D5MCN2	0,000121068	0,443	FALSE	FALSE	2,03	-1,06	0,967
cgr-1	Q22824	7,63179E-05	0,39	FALSE	FALSE	2,02	-1,06	0,962
tcc-1	Q9GRZ9	0,00012695	0,448	FALSE	FALSE	1,98	-1,04	0,941
rps-17	O01692	0,001729196	0,711	FALSE	FALSE	1,97	-1,03	0,938
vha-8	Q95X44	9,79145E-05	0,418	FALSE	FALSE	1,96	-1,03	0,933
toe-1	Q23495	0,008085711	0,814	FALSE	FALSE	1,91	-0,998	0,907
hrpr-1	Q9NLD1	0,003209515	0,757	FALSE	FALSE	1,88	-0,983	0,894

marc-1	Q23243	0,008101105	0,814	FALSE	FALSE	1,87	-0,98	0,891
lmm-1	Q21443	0,000600888	0,616	FALSE	FALSE	1,86	-0,974	0,886
sumv-1	P46582	0,001333266	0,689	FALSE	FALSE	1,86	-0,974	0,885
rpl-34	A3QMC5	0,013512457	0,84	FALSE	FALSE	1,85	-0,971	0,883
acox-1.2	O62137	0,004284823	0,776	FALSE	FALSE	1,77	-0,928	0,844
ain-1	Q17740	0,01059157	0,828	FALSE	FALSE	1,77	-0,925	0,841
nst-1	Q21086	2,09157E-05	0,253	FALSE	FALSE	1,76	-0,922	0,838
rsks-1	Q9NAH6	0,001160528	0,677	FALSE	FALSE	1,75	-0,914	0,831
tufm-2	G5EDF5	0,000350459	0,561	FALSE	FALSE	1,74	-0,914	0,831
C53D6.7	Q18813	0,031895914	0,876	FALSE	FALSE	1,71	-0,893	0,812
M28.5	Q21568	0,078969842	0,906	FALSE	FALSE	1,71	-0,898	0,816
rpl-12	P61866	0,034237013	0,879	FALSE	FALSE	1,68	-0,882	0,802
dve-1	Q86MI0	0,001428684	0,695	FALSE	FALSE	1,67	-0,874	0,795
tiar-1	Q81G49	0,001377577	0,692	FALSE	FALSE	1,65	-0,866	0,787
fbf-2	Q09312	0,000282991	0,538	FALSE	FALSE	1,64	-0,859	0,781
nrde-2	G5EG51	0,002432355	0,737	FALSE	FALSE	1,63	-0,852	0,775
kin-2	P30625	0,00145761	0,697	FALSE	FALSE	1,62	-0,847	0,77
CELE_K04C2.2	Q21210	0,001729383	0,711	FALSE	FALSE	1,6	-0,839	0,763
srpa-68	Q20822	0,003407612	0,761	FALSE	FALSE	1,57	-0,823	0,748
lin-38	O45950	0,009639613	0,823	FALSE	FALSE	1,56	-0,818	0,744
CELE_M03C11.3	H2FLG4	0,009341325	0,822	FALSE	FALSE	1,55	-0,811	0,737
lin-65	Q95XN0	0,099930137	0,913	FALSE	FALSE	1,54	-0,809	0,736
top-1	O17966-2	0,000655904	0,625	FALSE	FALSE	1,51	-0,792	0,72
C18B2.3	Q18074	0,013177371	0,839	FALSE	FALSE	1,5	-0,788	0,716
nog-1	O44411	4,2619E-05	0,325	FALSE	FALSE	1,5	-0,787	0,715
rsp-7	O01159	0,033088735	0,878	FALSE	FALSE	1,5	-0,783	0,712
gbas-1	Q9TZ14	0,020113576	0,858	FALSE	FALSE	1,49	-0,781	0,71
jmjc-1	O01658	0,004707935	0,782	FALSE	FALSE	1,49	-0,782	0,711
mlc-2	P19626	0,008101975	0,814	FALSE	FALSE	1,49	-0,778	0,708
pod-2	Q9GZ13	0,005608619	0,793	FALSE	FALSE	1,49	-0,782	0,711
sqd-1	Q8MXR6	0,005976597	0,797	FALSE	FALSE	1,47	-0,77	0,7
CELE_F55F8.2	P91340	0,00651386	0,802	FALSE	FALSE	1,45	-0,758	0,689
CELE_T10B5.3	O76407	0,000154653	0,47	FALSE	FALSE	1,45	-0,758	0,689
C18B2.5	Q18076	0,053178148	0,894	FALSE	FALSE	1,44	-0,752	0,684
eif-2alpha	Q9BKU3	0,057650937	0,897	FALSE	FALSE	1,43	-0,75	0,682
rcs-1	A8WFJ8	0,012869684	0,838	FALSE	FALSE	1,4	-0,733	0,666
suct-1	P53596	0,002064478	0,725	FALSE	FALSE	1,4	-0,735	0,668
CELE_Y71F9AL.9	Q9N4I3	0,00692371	0,805	FALSE	FALSE	1,39	-0,728	0,662
snrp-200	Q9U2G0	0,018344017	0,854	FALSE	FALSE	1,39	-0,726	0,66
T13F2.2	Q94045	0,065397479	0,9	FALSE	FALSE	1,37	-0,717	0,652
srpa-72	P91240	0,022706113	0,863	FALSE	FALSE	1,36	-0,715	0,65
B0511.6	O61815	0,003670947	0,766	FALSE	FALSE	1,35	-0,706	0,641
CELE_F54C9.9	Q20760	0,0670346	0,901	FALSE	FALSE	1,35	-0,705	0,641
dxd-17	Q9XUW5	9,33693E-05	0,413	FALSE	FALSE	1,35	-0,709	0,644
cyn-4	P52012	0,039156814	0,884	FALSE	FALSE	1,34	-0,702	0,638
daf-22	G5EDP2	0,012166557	0,835	FALSE	FALSE	1,34	-0,701	0,637
F44E2.3	P34433	0,125748002	0,919	FALSE	FALSE	1,33	-0,699	0,636
adr-1	Q86GC2	0,040217673	0,885	FALSE	FALSE	1,32	-0,691	0,628
fln-2	AOAOK3AT74	0,078165548	0,906	FALSE	FALSE	1,32	-0,692	0,629
edc-3	Q21740	0,070249542	0,903	FALSE	FALSE	1,31	-0,685	0,623
isw-1	P41877	0,029607069	0,874	FALSE	FALSE	1,31	-0,685	0,622
puf-12	Q09622	0,004320713	0,777	FALSE	FALSE	1,3	-0,683	0,621
ftt-2	Q20655	0,018874967	0,855	FALSE	FALSE	1,29	-0,673	0,612
swn-6	Q9N4N4	0,046833833	0,89	FALSE	FALSE	1,29	-0,674	0,613
tufm-1	G5ECM6	0,001334939	0,689	FALSE	FALSE	1,28	-0,668	0,607
prp-6	Q9GRZ2	0,004559301	0,78	FALSE	FALSE	1,27	-0,666	0,606
CELE_Y46E12BL.2	Q965N8	0,002053781	0,724	FALSE	FALSE	1,26	-0,661	0,601
sfa-1	G5EF97	0,054864177	0,895	FALSE	FALSE	1,26	-0,66	0,6
sur-5	Q21166	0,005754099	0,795	FALSE	FALSE	1,26	-0,657	0,598
nti-4	W6RRU8	0,028922597	0,873	FALSE	FALSE	1,24	-0,649	0,59
mp-3	Q21323	0,110925598	0,915	FALSE	FALSE	1,23	-0,645	0,586
ama-1	P16356	0,04540234	0,889	FALSE	FALSE	1,22	-0,641	0,583
CELE_Y52B11A.10	Q9U255	0,030102583	0,874	FALSE	FALSE	1,22	-0,639	0,581
csr-1	H2KZD5	0,078587939	0,906	FALSE	FALSE	1,22	-0,639	0,581
anc-1	Q9N4M4	0,027517701	0,871	FALSE	FALSE	1,21	-0,634	0,576
idhb-1	Q93353	0,026865054	0,87	FALSE	FALSE	1,2	-0,631	0,574
CELE_D2030.2	Q7YTG7	0,012088398	0,835	FALSE	FALSE	1,19	-0,623	0,567
hmg-12	G5EDQ2	0,293263799	0,938	FALSE	FALSE	1,19	-0,621	0,565
mcm-4	Q95XQ8	0,003225216	0,757	FALSE	FALSE	1,17	-0,614	0,558

rps-25	P52821	0,094061318	0,911	FALSE	FALSE	1,17	-0,613	0,558
pyr-1	Q18990	0,012481332	0,836	FALSE	FALSE	1,16	-0,609	0,554
CELE_F53H1.4	Q86MG4	0,015135064	0,845	FALSE	FALSE	1,15	-0,603	0,548
uaf-1	Q8MXS2	0,025589814	0,868	FALSE	FALSE	1,15	-0,605	0,55
myo-2	P12845	0,067052334	0,901	FALSE	FALSE	1,13	-0,591	0,537
rpc-2	Q27492	0,074150888	0,904	FALSE	FALSE	1,13	-0,592	0,538
hel-1	Q18212	0,050079497	0,892	FALSE	FALSE	1,1	-0,577	0,524
top-2	Q23670	0,034328065	0,879	FALSE	FALSE	1,1	-0,574	0,522
K07C5.6	Q21278	0,140573635	0,921	FALSE	FALSE	1,08	-0,566	0,515
C48B6.2	O01513	0,012893733	0,838	FALSE	FALSE	1,07	-0,559	0,508
prpf-4	Q19727	0,133001581	0,92	FALSE	FALSE	1,06	-0,555	0,504
gln-1	P34689	0,046214013	0,889	FALSE	FALSE	1,05	-0,549	0,499
sup-46	Q9XVS2	0,045755108	0,889	FALSE	FALSE	1,05	-0,55	0,5
CELE_F59B1.2	O61880	0,217749902	0,932	FALSE	FALSE	1,04	-0,543	0,494
CELE_W04D2.4	Q23159	0,108772312	0,915	FALSE	FALSE	1,04	-0,542	0,493
utp-20	Q19545	0,060043148	0,898	FALSE	FALSE	1,04	-0,544	0,494
F23B12.7	Q19753	0,161200637	0,925	FALSE	FALSE	1,03	-0,542	0,493
rsp-2	Q23120	0,170487281	0,926	FALSE	FALSE	1,03	-0,538	0,489
rpn-9	Q22253	0,031249342	0,876	FALSE	FALSE	1,02	-0,536	0,487
retr-1	P34431	0,139538767	0,921	FALSE	FALSE	1,01	-0,53	0,482
tag-18	Q22508	0,09608444	0,912	FALSE	FALSE	1,01	-0,53	0,481
ash-2	G5EFZ3	0,022869858	0,863	FALSE	FALSE	1	-0,524	0,477
rpl-36	P49181	0,03144299	0,876	FALSE	FALSE	0,996	-0,522	0,474
hrpu-2	G4SPY0	0,075243151	0,905	FALSE	FALSE	0,986	-0,517	0,47
emb-5	P34703	0,057023793	0,896	FALSE	FALSE	0,984	-0,516	0,469
xnp-1	Q9U7E0	0,048493224	0,891	FALSE	FALSE	0,974	-0,51	0,464
rpb-2	Q10578	0,036039274	0,881	FALSE	FALSE	0,973	-0,509	0,463
dnj-11	Q94216	0,153809134	0,924	FALSE	FALSE	0,966	-0,506	0,46
swn-4	G5EF53	0,01245671	0,836	FALSE	FALSE	0,963	-0,504	0,458
vbh-1	Q95XY1	0,09124406	0,91	FALSE	FALSE	0,943	-0,494	0,449
fasn-1	P91871	0,112750272	0,916	FALSE	FALSE	0,939	-0,492	0,447
ola-1	P91917	0,064387692	0,9	FALSE	FALSE	0,938	-0,491	0,446
rps-22	O17218	0,274444844	0,937	FALSE	FALSE	0,93	-0,487	0,443
myo-1	P02567	0,129652334	0,919	FALSE	FALSE	0,921	-0,483	0,439
acin-1	P91156	0,029982143	0,874	FALSE	FALSE	0,915	-0,479	0,436
acs-7	Q17577	0,015879559	0,848	FALSE	FALSE	0,91	-0,477	0,433
fat-2	G5EGA5	0,098072131	0,912	FALSE	FALSE	0,907	-0,475	0,432
CELE_F10C1.9	G4S1A4	0,021906304	0,862	FALSE	FALSE	0,903	-0,473	0,43
tin-44	O02161	0,041718575	0,886	FALSE	FALSE	0,903	-0,473	0,43
spc-1	G4S034	0,090272619	0,91	FALSE	FALSE	0,9	-0,472	0,429
rpn-5	Q19324	0,134764987	0,92	FALSE	FALSE	0,886	-0,464	0,422
ifg-1	B5BM23	0,021984237	0,862	FALSE	FALSE	0,882	-0,462	0,42
unc-1	G5ED08	0,371659321	0,943	FALSE	FALSE	0,879	-0,461	0,419
ubq-1	G8JY83	0,152059208	0,923	FALSE	FALSE	0,861	-0,451	0,41
vglin-1	Q17832	0,112878166	0,916	FALSE	FALSE	0,858	-0,449	0,408
CELE_F08F8.9	Q95ZV9	0,159569899	0,924	FALSE	FALSE	0,854	-0,447	0,407
T27F2.1	Q22836	0,393186981	0,944	FALSE	FALSE	0,854	-0,447	0,407
mel-32	P50432-2	0,129707545	0,919	FALSE	FALSE	0,852	-0,446	0,406
argk-1	O45518	0,045316658	0,889	FALSE	FALSE	0,848	-0,444	0,404
alh-13	P54889-2	0,082710241	0,907	FALSE	FALSE	0,839	-0,439	0,399
rpa-1	Q19537	0,127475299	0,919	FALSE	FALSE	0,837	-0,438	0,398
let-716	Q18038	0,023709181	0,865	FALSE	FALSE	0,834	-0,437	0,397
rpn-1	Q9GZH5	0,020623663	0,859	FALSE	FALSE	0,824	-0,432	0,392
CELE_Y23H5B.6	Q9N478	0,094478316	0,911	FALSE	FALSE	0,814	-0,426	0,388
sams-1	O17680	0,083570614	0,908	FALSE	FALSE	0,81	-0,424	0,386
abcf-2	G5EFG4	0,006377401	0,801	FALSE	FALSE	0,809	-0,424	0,385
npp-9	Q21021	0,092971913	0,911	FALSE	FALSE	0,807	-0,423	0,384
rla-1	P91913	0,076775094	0,905	FALSE	FALSE	0,802	-0,42	0,382
ngp-1	Q9U365	0,088744371	0,909	FALSE	FALSE	0,799	-0,419	0,381
rpl-9	Q95Y90	0,207951326	0,931	FALSE	FALSE	0,799	-0,419	0,381
ifc-1	O45168	0,431656657	0,946	FALSE	FALSE	0,794	-0,416	0,378
taf-3	E9P861	0,222263416	0,932	FALSE	FALSE	0,794	-0,416	0,378
frm-1	G5EEP9	0,138099604	0,921	FALSE	FALSE	0,769	-0,403	0,366
cmd-1	O16305	0,366027655	0,942	FALSE	FALSE	0,757	-0,397	0,361
C52B9.8	Q22944	0,16286638	0,925	FALSE	FALSE	0,754	-0,395	0,359
iff-2	Q20751	0,338517308	0,941	FALSE	FALSE	0,745	-0,39	0,355
ctr-9	Q03560	0,206365532	0,93	FALSE	FALSE	0,739	-0,387	0,352
hsf-1	G5EFT5	0,574076157	0,951	FALSE	FALSE	0,733	-0,384	0,349
vha-15	Q22494	0,100539185	0,913	FALSE	FALSE	0,727	-0,381	0,346

iars-1	Q21926	0,136914517	0,921	FALSE	FALSE	0,724	-0,379	0,345
rbm-39	Q9N368	0,108191321	0,915	FALSE	FALSE	0,719	-0,377	0,342
rpt-2	O16368	0,043485538	0,887	FALSE	FALSE	0,692	-0,363	0,33
lev-11.2	Q22866	0,318835297	0,94	FALSE	FALSE	0,677	-0,355	0,322
nifk-1	Q22135	0,313564844	0,939	FALSE	FALSE	0,677	-0,355	0,322
rpl-27	P91914	0,250426146	0,935	FALSE	FALSE	0,669	-0,35	0,318
inf-1	P27639	0,064122353	0,9	FALSE	FALSE	0,667	-0,349	0,318
dnj-12	O45502	0,068966722	0,902	FALSE	FALSE	0,665	-0,348	0,317
smc-3	B2FDA8-2	0,199891655	0,93	FALSE	FALSE	0,654	-0,343	0,311
ears-1	Q23315	0,163500215	0,925	FALSE	FALSE	0,653	-0,342	0,311
ran-1	O17915	0,246575531	0,934	FALSE	FALSE	0,649	-0,34	0,309
Y66H1A.4	Q9TYK1	0,300554607	0,938	FALSE	FALSE	0,641	-0,336	0,305
cyl-1	G5EBX3	0,360911344	0,942	FALSE	FALSE	0,625	-0,328	0,298
ahsa-1	Q93168	0,39367695	0,944	FALSE	FALSE	0,624	-0,327	0,297
pfm-1	Q9XW16	0,355379822	0,942	FALSE	FALSE	0,623	-0,326	0,297
snrp-40.1	Q19211	0,402553349	0,944	FALSE	FALSE	0,62	-0,325	0,295
EIF-3.C	O02328	0,268984691	0,936	FALSE	FALSE	0,616	-0,323	0,293
dhc-1	Q19020	0,300059617	0,938	FALSE	FALSE	0,603	-0,316	0,287
cif-1	Q94261	0,196006825	0,929	FALSE	FALSE	0,602	-0,315	0,287
copb-1	Q9TYL9	0,269219398	0,936	FALSE	FALSE	0,598	-0,313	0,285
K01G5.5	O17919	0,115044915	0,916	FALSE	FALSE	0,597	-0,313	0,284
Y48AB.3	Q9XXD4	0,308759057	0,939	FALSE	FALSE	0,594	-0,311	0,283
rpl-25.2	Q20647	0,384466006	0,943	FALSE	FALSE	0,593	-0,311	0,283
EIF-3.B	Q9XW16	0,402883437	0,944	FALSE	FALSE	0,591	-0,31	0,282
cct-2	P47207	0,03521481	0,88	FALSE	FALSE	0,587	-0,307	0,279
ima-2	P91276	0,211501245	0,931	FALSE	FALSE	0,564	-0,295	0,269
cey-1	O62213	0,298013096	0,938	FALSE	FALSE	0,563	-0,295	0,268
imph-1	Q6A582	0,398808686	0,944	FALSE	FALSE	0,552	-0,289	0,263
EIF-2gamma	Q95XR0	0,06318814	0,899	FALSE	FALSE	0,551	-0,289	0,263
CELE_Y119D3B.12	H2LOS8	0,252377612	0,935	FALSE	FALSE	0,55	-0,288	0,262
spt-16	Q9N5R9	0,52291111	0,949	FALSE	FALSE	0,546	-0,286	0,26
dhs-28	Q21481	0,261704102	0,936	FALSE	FALSE	0,535	-0,28	0,255
dbt-1	Q23571	0,078762738	0,906	FALSE	FALSE	0,533	-0,279	0,254
alg-1	G5EGR6	0,364796148	0,942	FALSE	FALSE	0,522	-0,273	0,249
copb-2	Q20168	0,345423509	0,941	FALSE	FALSE	0,502	-0,263	0,239
pab-1	Q9U302	0,149765036	0,923	FALSE	FALSE	0,502	-0,263	0,239
EIF-3.H	O01974	0,10780394	0,915	FALSE	FALSE	0,501	-0,262	0,239
txdc-12.2	Q9N5S7	0,573995769	0,951	FALSE	FALSE	0,488	-0,256	0,232
ima-3	Q19969	0,260279787	0,935	FALSE	FALSE	0,482	-0,253	0,23
rpl-6	Q9XTT9	0,207930462	0,931	FALSE	FALSE	0,482	-0,252	0,229
spt-5	Q21338	0,563117788	0,951	FALSE	FALSE	0,482	-0,253	0,23
ddx-23	Q95QN2	0,376161459	0,943	FALSE	FALSE	0,48	-0,251	0,229
unc-89	O01761-6	0,418716864	0,945	FALSE	FALSE	0,479	-0,251	0,228
copa-1	Q9NH47	0,280546442	0,937	FALSE	FALSE	0,477	-0,25	0,227
lys-1	O62415	0,631746893	0,953	FALSE	FALSE	0,475	-0,249	0,226
eft-3	P53013	0,143770449	0,922	FALSE	FALSE	0,471	-0,247	0,225
C05C10.3	Q09450	0,500194204	0,948	FALSE	FALSE	0,469	-0,246	0,223
rpl-14	Q9XVE9	0,441960287	0,946	FALSE	FALSE	0,457	-0,239	0,218
nol-58	O45012	0,072871372	0,904	FALSE	FALSE	0,442	-0,232	0,211
ifc-2	G8JY94	0,732501098	0,955	FALSE	FALSE	0,441	-0,231	0,21
B0303.3	P34255	0,273273259	0,937	FALSE	FALSE	0,403	-0,211	0,192
rpl-20	O44480	0,159823297	0,925	FALSE	FALSE	0,401	-0,21	0,191
dyn-1	P39055-2	0,476202457	0,947	FALSE	FALSE	0,392	-0,205	0,187
B0238.11	O16487	0,408371623	0,945	FALSE	FALSE	0,387	-0,203	0,184
rsp-8	Q9XTZ2	0,598433728	0,952	FALSE	FALSE	0,381	-0,199	0,181
tcab-1	Q8WQB4	0,656540562	0,953	FALSE	FALSE	0,371	-0,195	0,177
icd-1	Q18885	0,420408042	0,945	FALSE	FALSE	0,37	-0,194	0,176
suca-1	P53588	0,289667509	0,938	FALSE	FALSE	0,364	-0,191	0,173
copg-1	AOA061ACR1	0,374456892	0,943	FALSE	FALSE	0,363	-0,19	0,173
let-711	AOA1D3PCL8	0,405552383	0,944	FALSE	FALSE	0,335	-0,176	0,16
plrg-1	G5EEL2	0,725846932	0,955	FALSE	FALSE	0,33	-0,173	0,157
paa-1	Q09543	0,48925378	0,948	FALSE	FALSE	0,327	-0,171	0,156
laf-1	DOPV95	0,358150069	0,942	FALSE	FALSE	0,319	-0,167	0,152
mcm-5	Q21902	0,571020966	0,951	FALSE	FALSE	0,318	-0,167	0,152
rpl-23	P48158	0,60748825	0,952	FALSE	FALSE	0,315	-0,165	0,15
nol-2	Q9TYV5	0,705133764	0,955	FALSE	FALSE	0,311	-0,163	0,148
cct-6	P46550	0,335589631	0,941	FALSE	FALSE	0,293	-0,153	0,139
pars-1	Q22620	0,385969381	0,943	FALSE	FALSE	0,293	-0,153	0,14
rbm-17	Q20966	0,791349172	0,957	FALSE	FALSE	0,282	-0,147	0,134

unc-44	Q8MQG0	0,370025437	0,943	FALSE	FALSE	0,275	-0,144	0,131
spk-1	Q03563-2	0,704625568	0,955	FALSE	FALSE	0,269	-0,141	0,128
nuo-5	Q9N4Y8	0,617932052	0,952	FALSE	FALSE	0,265	-0,139	0,126
unc-15	P10567	0,66168048	0,953	FALSE	FALSE	0,246	-0,129	0,117
gtbp-1	Q21351	0,649220829	0,953	FALSE	FALSE	0,244	-0,128	0,116
ifb-1	G5EGT7	0,612344048	0,952	FALSE	FALSE	0,235	-0,123	0,112
rpl-22	P52819	0,393114161	0,944	FALSE	FALSE	0,231	-0,121	0,11
cct-4	P47208	0,613297329	0,952	FALSE	FALSE	0,229	-0,12	0,109
rps-18	O18240	0,708823816	0,955	FALSE	FALSE	0,229	-0,12	0,109
unc-70	G5EG85	0,492075095	0,948	FALSE	FALSE	0,227	-0,119	0,108
rsp-3	Q9NEW6	0,622539064	0,952	FALSE	FALSE	0,221	-0,116	0,105
fipp-1	O16293	0,695395657	0,954	FALSE	FALSE	0,219	-0,115	0,104
imb-3	Q9N5V3	0,611934534	0,952	FALSE	FALSE	0,209	-0,109	0,0994
CELE_F46H5.7	H2LOA8	0,60965336	0,952	FALSE	FALSE	0,207	-0,108	0,0986
CELE_K07H8.10	O45181	0,797718921	0,957	FALSE	FALSE	0,199	-0,104	0,0947
rop-1	Q27274	0,583767193	0,951	FALSE	FALSE	0,199	-0,104	0,0948
rpl-24.1	O01868	0,809598724	0,957	FALSE	FALSE	0,199	-0,104	0,0946
cdk-1	P34556	0,506887397	0,949	FALSE	FALSE	0,197	-0,103	0,0939
lpd-7	Q95Y89	0,552096374	0,95	FALSE	FALSE	0,197	-0,103	0,0938
rpl-7	O01802	0,629251053	0,953	FALSE	FALSE	0,184	-0,0963	0,0875
rpt-1	Q18787	0,705889296	0,955	FALSE	FALSE	0,184	-0,0966	0,0878
myo-5	Q21000	0,840517102	0,958	FALSE	FALSE	0,182	-0,0955	0,0868
rps-20	Q8WQA8	0,777133775	0,956	FALSE	FALSE	0,181	-0,0949	0,0863
CELE_F10E9.11	Q95QL6	0,764415903	0,956	FALSE	FALSE	0,178	-0,0935	0,085
cdc-5l	G5EFC4	0,800201195	0,957	FALSE	FALSE	0,173	-0,0908	0,0825
clu-1	P34466	0,704462358	0,955	FALSE	FALSE	0,173	-0,0908	0,0825
egl-4	O76360-2	0,707282052	0,955	FALSE	FALSE	0,172	-0,0903	0,0821
kin-19	P42168	0,732827287	0,955	FALSE	FALSE	0,168	-0,088	0,08
met-2	P34544	0,828354738	0,957	FALSE	FALSE	0,164	-0,086	0,0782
rde-12	P90897-2	0,827602726	0,957	FALSE	FALSE	0,163	-0,0854	0,0777
rps-6	Q9NEN6	0,758266791	0,956	FALSE	FALSE	0,163	-0,0852	0,0774
mua-6	O02365	0,67262866	0,954	FALSE	FALSE	0,161	-0,0845	0,0768
B0379.1	Q9XU45	0,672513197	0,954	FALSE	FALSE	0,159	-0,083	0,0755
pas-5	Q95008	0,801176828	0,957	FALSE	FALSE	0,148	-0,0775	0,0704
gfat-1	Q95QM8	0,724857541	0,955	FALSE	FALSE	0,13	-0,0678	0,0617
C30G12.2	Q09486	0,790234627	0,957	FALSE	FALSE	0,129	-0,0676	0,0615
rpl-7A	Q966C6	0,666935777	0,954	FALSE	FALSE	0,128	-0,0672	0,0611
rpl-10	Q09533	0,892311284	0,959	FALSE	FALSE	0,123	-0,0644	0,0585
eif-3.L	Q95QW0-2	0,830023228	0,957	FALSE	FALSE	0,122	-0,0637	0,0579
iff-1	G1K0V8	0,897404815	0,959	FALSE	FALSE	0,117	-0,0611	0,0555
sdha-1	Q09508	0,777420672	0,956	FALSE	FALSE	0,0993	-0,052	0,0473
vha-2	P34546	0,888758158	0,959	FALSE	FALSE	0,0838	-0,0439	0,0399
rpn-2	Q18115	0,737114824	0,955	FALSE	FALSE	0,0813	-0,0426	0,0387
par-5	P41932	0,864189808	0,958	FALSE	FALSE	0,0787	-0,0412	0,0375
CELE_Y55F3AM.13	Q9N362	0,840404914	0,958	FALSE	FALSE	0,0662	-0,0347	0,0315
ZK1098.1	P34600	0,859752525	0,958	FALSE	FALSE	0,0641	-0,0336	0,0305
mhc-3	P53014	0,894197994	0,959	FALSE	FALSE	0,0617	-0,0323	0,0294
CELE_F46C8.3	Q9GYP5	0,951109926	0,96	FALSE	FALSE	0,0615	-0,0322	0,0293
ifb-2	M1Z854	0,942754426	0,96	FALSE	FALSE	0,0547	-0,0287	0,0261
ivd-1	G5EEH6	0,91526937	0,959	FALSE	FALSE	0,05	-0,0262	0,0238
egl-45	P34339	0,888028137	0,959	FALSE	FALSE	0,0465	-0,0244	0,0221
vha-11	Q9XXU9	0,9227402	0,959	FALSE	FALSE	0,046	-0,0241	0,0219
hrpf-1	Q9BIB7	0,937852837	0,96	FALSE	FALSE	0,0365	-0,0191	0,0174
idha-1	Q93714	0,91044197	0,959	FALSE	FALSE	0,0359	-0,0188	0,0171
C27B7.5	Q18244	0,939977659	0,96	FALSE	FALSE	0,0342	-0,0179	0,0163
gcn-1	B3CJ34	0,920934074	0,959	FALSE	FALSE	0,0272	-0,0143	0,013
noi-56	Q21276	0,930928118	0,959	FALSE	FALSE	0,0218	-0,0114	0,0104
unc-52.1	Q06561	0,990420558	0,961	FALSE	FALSE	0,0127	-0,00667	0,00607
idng-1	Q20049	0,989049115	0,961	FALSE	FALSE	0,0102	-0,00537	0,00488
ketn-1	Q5PY59	0,990847844	0,961	FALSE	FALSE	0,00864	-0,00453	0,00412
cir-1	G5EBE3	0,9903938	0,961	FALSE	FALSE	0,00666	-0,00349	0,00317
mog-2	Q9BLB6	0,994130412	0,961	FALSE	FALSE	0,00417	-0,00218	0,00198
ucr-1	P98080	0,991903841	0,961	FALSE	FALSE	-0,00411	0,00215	-0,00196
myo-3	P12844	0,976969362	0,96	FALSE	FALSE	-0,0141	0,0074	-0,00672
CELE_H05C05.1	H2LOA8	0,986470891	0,961	FALSE	FALSE	-0,0145	0,00759	-0,0069
cct-5	P47209	0,977117573	0,96	FALSE	FALSE	-0,0155	0,00814	-0,0074
rpl-1	Q9N4I4	0,962588346	0,96	FALSE	FALSE	-0,0333	0,0174	-0,0158
rps-2	P51403	0,928300604	0,959	FALSE	FALSE	-0,0333	0,0174	-0,0158
rps-27	Q9TXP0	0,901586264	0,959	FALSE	FALSE	-0,0459	0,024	-0,0218

pgl-1	Q304E5	0,905549748	0,959	FALSE	FALSE	-0,0507	0,0265	-0,0241
cpsf-1	Q9N4C2	0,945922212	0,96	FALSE	FALSE	-0,0613	0,0321	-0,0292
acdh-1	H2KZG6	0,83993444	0,958	FALSE	FALSE	-0,0628	0,0329	-0,0299
sftb-2	O16997	0,905209448	0,959	FALSE	FALSE	-0,063	0,033	-0,03
uba-1	C1P636	0,889783648	0,959	FALSE	FALSE	-0,076	0,0398	-0,0362
gld-1	Q17339	0,896831851	0,959	FALSE	FALSE	-0,0768	0,0402	-0,0366
kin-3	P18334	0,879418942	0,958	FALSE	FALSE	-0,089	0,0466	-0,0424
rps-7	Q23312	0,831664089	0,958	FALSE	FALSE	-0,11	0,0576	-0,0524
hsp-60	P50140	0,677414213	0,954	FALSE	FALSE	-0,133	0,0697	-0,0633
cyn-8	P52016-2	0,791303177	0,957	FALSE	FALSE	-0,134	0,0702	-0,0639
cand-1	G5ED41	0,746918287	0,956	FALSE	FALSE	-0,136	0,0711	-0,0646
tsn-1	Q19328	0,662306409	0,953	FALSE	FALSE	-0,143	0,0748	-0,068
pas-1	O17586	0,749974463	0,956	FALSE	FALSE	-0,146	0,0765	-0,0695
cct-3	Q9N4J8	0,738263972	0,955	FALSE	FALSE	-0,151	0,0791	-0,072
atp-3	P91283	0,755385952	0,956	FALSE	FALSE	-0,157	0,0823	-0,0748
fib-1	Q22053	0,713769265	0,955	FALSE	FALSE	-0,157	0,0821	-0,0746
CELE_F59A2.5	Q21019	0,889736572	0,959	FALSE	FALSE	-0,165	0,0865	-0,0786
rps-14	P48150	0,660223852	0,953	FALSE	FALSE	-0,166	0,087	-0,0791
mdh-2	O02640	0,637702171	0,953	FALSE	FALSE	-0,173	0,0907	-0,0825
rpl-2	Q9XVF7	0,846560109	0,958	FALSE	FALSE	-0,176	0,0922	-0,0838
kars-1	Q95ZQ3	0,604347564	0,952	FALSE	FALSE	-0,188	0,0985	-0,0895
rps-9	Q20228	0,696305335	0,954	FALSE	FALSE	-0,2	0,105	-0,0954
B0250.5	Q9XTI0	0,529298483	0,949	FALSE	FALSE	-0,204	0,107	-0,0969
emb-4	Q9U1Q7	0,731872542	0,955	FALSE	FALSE	-0,206	0,108	-0,0981
rab-1	Q9UAQ6	0,726600935	0,955	FALSE	FALSE	-0,206	0,108	-0,098
rps-4	Q9N3X2	0,602677186	0,952	FALSE	FALSE	-0,207	0,108	-0,0984
dars-1	Q03577	0,430798001	0,946	FALSE	FALSE	-0,21	0,11	-0,1
arp-1	Q9NA98	0,46314227	0,947	FALSE	FALSE	-0,215	0,113	-0,102
CELE_T18D3.1	Q22540	0,612998022	0,952	FALSE	FALSE	-0,219	0,115	-0,104
chc-1	P34574	0,514721607	0,949	FALSE	FALSE	-0,223	0,117	-0,106
pqn-53	Q21793	0,76341496	0,956	FALSE	FALSE	-0,223	0,117	-0,106
rps-16	Q22054	0,604317083	0,952	FALSE	FALSE	-0,224	0,117	-0,107
lec-2	G5EGB1	0,726481829	0,955	FALSE	FALSE	-0,227	0,119	-0,108
nap-1	Q19007	0,693310777	0,954	FALSE	FALSE	-0,232	0,121	-0,11
cyn-13	Q9U2S6	0,699150546	0,954	FALSE	FALSE	-0,241	0,126	-0,115
F46H5.3	Q10454-2	0,657051972	0,953	FALSE	FALSE	-0,242	0,127	-0,115
vha-13	Q9XW92	0,316990595	0,94	FALSE	FALSE	-0,243	0,127	-0,115
Y73F4A.1	Q9XWC2	0,431730731	0,946	FALSE	FALSE	-0,256	0,134	-0,122
rps-3	P48152	0,344522584	0,941	FALSE	FALSE	-0,264	0,138	-0,126
eef-1G	P54412	0,624051231	0,952	FALSE	FALSE	-0,27	0,142	-0,129
icd-2	Q96S66	0,513090753	0,949	FALSE	FALSE	-0,271	0,142	-0,129
CELE_M03F8.3	O16376	0,463755223	0,947	FALSE	FALSE	-0,276	0,145	-0,131
unc-22	Q23551	0,663360181	0,954	FALSE	FALSE	-0,277	0,145	-0,132
unc-87	P37806-2	0,545414322	0,95	FALSE	FALSE	-0,28	0,147	-0,133
vha-5	G5EEK9	0,760872148	0,956	FALSE	FALSE	-0,283	0,148	-0,135
aco-2	P34455	0,512149928	0,949	FALSE	FALSE	-0,294	0,154	-0,14
nsf-1	Q94392	0,449942171	0,946	FALSE	FALSE	-0,303	0,159	-0,144
rbm-25	H2L2D0	0,685266437	0,954	FALSE	FALSE	-0,303	0,159	-0,144
rps-1	P48154	0,592168516	0,951	FALSE	FALSE	-0,305	0,16	-0,145
CELE_F01G4.6	G5ECU3	0,388306092	0,944	FALSE	FALSE	-0,306	0,16	-0,146
vha-12	Q19626	0,384421648	0,943	FALSE	FALSE	-0,307	0,161	-0,146
eef-1B.2	Q9U2H9	0,607407094	0,952	FALSE	FALSE	-0,312	0,163	-0,149
rps-0	P46769	0,30324442	0,939	FALSE	FALSE	-0,329	0,172	-0,157
ZC262.2	P34594	0,556392826	0,95	FALSE	FALSE	-0,335	0,176	-0,16
act-5	O45815	0,490619054	0,948	FALSE	FALSE	-0,34	0,178	-0,162
rla-0	Q93572	0,228545194	0,933	FALSE	FALSE	-0,359	0,188	-0,171
rsp-1	Q23121	0,595398867	0,952	FALSE	FALSE	-0,365	0,191	-0,174
hsp-1	P09446	0,17906997	0,927	FALSE	FALSE	-0,385	0,202	-0,184
unc-54	P02566	0,289023128	0,938	FALSE	FALSE	-0,393	0,206	-0,187
pyk-1	O17836	0,4664182	0,947	FALSE	FALSE	-0,395	0,207	-0,188
trpl-2	Q23141	0,596216021	0,952	FALSE	FALSE	-0,401	0,21	-0,191
ttn-1	G4SLH0-3	0,744257726	0,956	FALSE	FALSE	-0,405	0,212	-0,193
cct-1	P41988	0,185983532	0,928	FALSE	FALSE	-0,407	0,213	-0,194
F27D4.1	Q93615	0,387743023	0,944	FALSE	FALSE	-0,424	0,222	-0,202
pyc-1	O17732	0,23302746	0,933	FALSE	FALSE	-0,43	0,225	-0,205
let-805	Q9UB28	0,70066764	0,954	FALSE	FALSE	-0,434	0,227	-0,207
ant-1.1	O45865	0,276550724	0,937	FALSE	FALSE	-0,444	0,233	-0,211
eat-6	P90735	0,12504978	0,918	FALSE	FALSE	-0,446	0,233	-0,212
mars-1	Q20970	0,254905524	0,935	FALSE	FALSE	-0,451	0,236	-0,215

tkl-1	O17759	0,39558299	0,944	FALSE	FALSE	-0,452	0,237	-0,215
clik-1	Q23050	0,284872153	0,937	FALSE	FALSE	-0,456	0,239	-0,217
CELE_T23E7.2	H2KZS2	0,137777298	0,921	FALSE	FALSE	-0,493	0,258	-0,235
rpn-3	Q04908	0,075656265	0,905	FALSE	FALSE	-0,494	0,259	-0,235
cct-8	Q9N358	0,220541524	0,932	FALSE	FALSE	-0,499	0,261	-0,238
CELE_T08G11.1	Q94010	0,397508775	0,944	FALSE	FALSE	-0,507	0,266	-0,241
eef-2	P29691	0,231845071	0,933	FALSE	FALSE	-0,507	0,266	-0,242
hpo-34.1	Q6A2D2	0,578224918	0,951	FALSE	FALSE	-0,507	0,266	-0,242
daf-21	Q18688	0,089071826	0,909	FALSE	FALSE	-0,511	0,268	-0,243
eftu-2	Q23463	0,331573126	0,94	FALSE	FALSE	-0,514	0,269	-0,245
CELE_F53H1.1	Q965K2	0,12563387	0,919	FALSE	FALSE	-0,517	0,271	-0,246
rpl-4	O02056	0,084422754	0,908	FALSE	FALSE	-0,519	0,272	-0,247
syf-1	P91175	0,310502947	0,939	FALSE	FALSE	-0,52	0,272	-0,248
rps-15	Q9XVP0	0,192272884	0,929	FALSE	FALSE	-0,524	0,274	-0,25
rpl-6	P47991	0,374437296	0,943	FALSE	FALSE	-0,525	0,275	-0,25
sca-1	G5EEK8	0,084027366	0,908	FALSE	FALSE	-0,525	0,275	-0,25
prcc-1	Q18535	0,449642687	0,946	FALSE	FALSE	-0,527	0,276	-0,251
rps-24	Q1XFY9	0,415138253	0,945	FALSE	FALSE	-0,53	0,278	-0,252
H2B016.1	Q9XXK1-4	0,051578875	0,893	FALSE	FALSE	-0,534	0,28	-0,255
rps-11	Q20206	0,240054727	0,934	FALSE	FALSE	-0,534	0,28	-0,254
ahcy-1	P27604	0,204249904	0,93	FALSE	FALSE	-0,538	0,282	-0,256
prp-19	Q10051	0,221867573	0,932	FALSE	FALSE	-0,539	0,282	-0,257
dim-1	Q18066-2	0,194118915	0,929	FALSE	FALSE	-0,544	0,285	-0,259
rack-1	Q21215	0,068604698	0,902	FALSE	FALSE	-0,546	0,286	-0,26
cdk-11.1	Q09437	0,342047291	0,941	FALSE	FALSE	-0,587	0,308	-0,28
aldo-2	P46563	0,351756229	0,942	FALSE	FALSE	-0,59	0,309	-0,281
plp-1	Q94230	0,247463783	0,934	FALSE	FALSE	-0,605	0,317	-0,288
prp-8	P34369	0,121550697	0,918	FALSE	FALSE	-0,626	0,328	-0,298
ddx-35	Q9BKQ8	0,443709437	0,946	FALSE	FALSE	-0,639	0,335	-0,304
rps-23	Q19877	0,490926041	0,948	FALSE	FALSE	-0,647	0,339	-0,308
pdi-2	Q17770	0,113959599	0,916	FALSE	FALSE	-0,648	0,339	-0,309
acer-1	Q18599	0,145361745	0,922	FALSE	FALSE	-0,657	0,344	-0,313
rme-1	Q86S80	0,20884638	0,931	FALSE	FALSE	-0,694	0,363	-0,33
ifa-1	P90901-3	0,373378899	0,943	FALSE	FALSE	-0,698	0,366	-0,333
ifb-1	Q19289	0,226103648	0,932	FALSE	FALSE	-0,71	0,372	-0,338
rpl-5	P49405	0,063106261	0,899	FALSE	FALSE	-0,721	0,377	-0,343
phb-2	P50093	0,126570221	0,919	FALSE	FALSE	-0,745	0,39	-0,355
rbmx-2	Q18318	0,054385549	0,895	FALSE	FALSE	-0,747	0,391	-0,355
enol-1	Q27527	0,064696364	0,9	FALSE	FALSE	-0,749	0,393	-0,357
CELE_W08E12.7	Q9N5B3	0,281620658	0,937	FALSE	FALSE	-0,751	0,393	-0,358
hsp-3	P27420	0,012371715	0,836	FALSE	FALSE	-0,751	0,393	-0,357
rpl-3	P50880	0,395412727	0,944	FALSE	FALSE	-0,751	0,394	-0,358
CELE_Y71H2AM.1	Q9BL28	0,432232284	0,946	FALSE	FALSE	-0,754	0,395	-0,359
pdi-1	Q17967	0,113135613	0,916	FALSE	FALSE	-0,754	0,395	-0,359
trap-1	Q95XT5	0,083141441	0,908	FALSE	FALSE	-0,766	0,401	-0,365
dlst-1	O45148	0,113598494	0,916	FALSE	FALSE	-0,772	0,404	-0,368
pat-4	Q9TZC4	0,069231719	0,902	FALSE	FALSE	-0,779	0,408	-0,371
pmt-2	Q22993	0,063264856	0,899	FALSE	FALSE	-0,837	0,439	-0,399
vdac-1	Q21752	0,016346746	0,849	FALSE	FALSE	-0,838	0,439	-0,399
pdi-3	G5ED07	0,030969913	0,875	FALSE	FALSE	-0,842	0,441	-0,401
epi-1	C1P641	0,048790047	0,891	FALSE	FALSE	-0,844	0,442	-0,402
vig-1	H2KYR1	0,410446038	0,945	FALSE	FALSE	-0,862	0,452	-0,411
ribo-1	Q9GZH4	0,025787798	0,868	FALSE	FALSE	-0,863	0,452	-0,411
enpl-1	Q22235	0,299278578	0,938	FALSE	FALSE	-0,868	0,455	-0,413
hsp-6	P11141	0,009200473	0,821	FALSE	FALSE	-0,868	0,455	-0,413
prp-17	O44729	0,102114299	0,913	FALSE	FALSE	-0,868	0,454	-0,413
ogdh-1	O61199	0,024187277	0,866	FALSE	FALSE	-0,869	0,455	-0,414
CELE_Y65B4A.6	Q9BL61	0,19099967	0,929	FALSE	FALSE	-0,89	0,466	-0,424
rps-8	P48156	0,028695642	0,872	FALSE	FALSE	-0,89	0,466	-0,424
act-3	PODM42	0,040207552	0,885	FALSE	FALSE	-0,931	0,488	-0,443
ech-1.2	Q9BIC3	0,001480221	0,698	FALSE	FALSE	-0,975	0,511	-0,464
CELE_Y69A2AR.18	Q95XJ0	0,004013074	0,772	FALSE	FALSE	-0,981	0,514	-0,467
mca-3	Q95XP6	0,012951903	0,838	FALSE	FALSE	-0,984	0,515	-0,469
gdh-1	Q23621	0,007673775	0,811	FALSE	FALSE	-0,985	0,516	-0,469
atp-2	P46561	0,002218151	0,73	FALSE	FALSE	-1,01	0,532	-0,483
fln-1	DOIIMZ7	0,050295547	0,892	FALSE	FALSE	-1,06	0,555	-0,505
rnp-6.1	Q9N3S4	0,04672634	0,89	FALSE	FALSE	-1,06	0,556	-0,506
aco-1	Q23500	0,013005768	0,838	FALSE	FALSE	-1,07	0,56	-0,509
plin-1	Q65ZB1	0,004646884	0,782	FALSE	FALSE	-1,1	0,577	-0,525

ajm-1.1	A0A1C3NSP2	0,313569675	0,939	FALSE	FALSE	-1,11	0,58	-0,527
cacn-1	G5EG14	0,016870843	0,85	FALSE	FALSE	-1,11	0,581	-0,528
rpl-32	Q22716	0,163840589	0,925	FALSE	FALSE	-1,12	0,588	-0,535
cts-1	P34575	0,067825218	0,902	FALSE	FALSE	-1,13	0,593	-0,539
glp-4	Q9U1Q4	0,001334409	0,689	FALSE	FALSE	-1,18	0,618	-0,562
eif-3.D	P30642	0,11728323	0,917	FALSE	FALSE	-1,19	0,623	-0,567
lec-1	O45904	0,00510827	0,787	FALSE	FALSE	-1,19	0,624	-0,567
tln-1	G5EGK1	0,170373676	0,926	FALSE	FALSE	-1,19	0,622	-0,566
CELE_K09G1.1.1	Q9XVL1	0,265312933	0,936	FALSE	FALSE	-1,22	0,637	-0,579
tbb-2	P52275	0,002871783	0,749	FALSE	FALSE	-1,22	0,64	-0,582
cgh-1	Q95YF3	0,022499711	0,863	FALSE	FALSE	-1,26	0,66	-0,6
mp-4	Q21832	0,026931657	0,87	FALSE	FALSE	-1,26	0,658	-0,598
tba-2	P34690	4,09923E-05	0,32	FALSE	FALSE	-1,3	0,681	-0,619
phb-1	Q9BKU4	0,012774044	0,838	FALSE	FALSE	-1,32	0,69	-0,627
dlat-1	Q19749	0,001611836	0,705	FALSE	FALSE	-1,34	0,701	-0,638
CELE_Y108G3AL.2	Q95Y35	0,003076347	0,754	FALSE	FALSE	-1,38	0,722	-0,656
sacy-1	Q9N5K1	0,002154438	0,728	FALSE	FALSE	-1,38	0,725	-0,659
cyn-10	P52017	0,000171372	0,482	FALSE	FALSE	-1,47	0,772	-0,702
CELE_F33G12.2	Q19986	0,006630752	0,803	FALSE	FALSE	-1,5	0,783	-0,712
alh-8	P52713	0,005074434	0,787	FALSE	FALSE	-1,52	0,794	-0,722
rpl-15	P91374	0,046522077	0,89	FALSE	FALSE	-1,52	0,796	-0,724
rpl-33	P49180	0,088722543	0,909	FALSE	FALSE	-1,55	0,81	-0,737
mag-1	P49029	0,034043448	0,879	FALSE	FALSE	-1,58	0,826	-0,751
nmy-1	Q20641	0,00200942	0,723	FALSE	FALSE	-1,58	0,829	-0,754
dlg-1	G5ECV0	0,041941096	0,886	FALSE	FALSE	-1,67	0,875	-0,796
gpd-3	P17330	0,000335294	0,556	FALSE	FALSE	-1,67	0,875	-0,795
acaa-2	O45552	0,010243581	0,827	FALSE	FALSE	-1,71	0,897	-0,816
CELE_Y66D12A.8.1	Q95Q06	0,056431276	0,896	FALSE	FALSE	-1,73	0,906	-0,823
car-1	Q9XW17	0,016792732	0,85	FALSE	FALSE	-1,74	0,912	-0,829
CELE_Y67D2.7	Q9BKQ7	4,89171E-05	0,34	FALSE	FALSE	-1,87	0,977	-0,889
atn-1	Q23158	0,015295343	0,846	FALSE	FALSE	-1,88	0,987	-0,897
acs-2	O18693	0,010951677	0,83	FALSE	FALSE	-2,25	1,18	-1,07
icl-1	Q10663	0,001545693	0,702	FALSE	FALSE	-2,4	1,26	-1,14
C14F11.4	B3WFT8	0,003287669	0,759	FALSE	FALSE	-2,79	1,46	-1,33
CELE_F21H7.5	O45386	0,02652848	0,869	FALSE	FALSE	-2,86	1,5	-1,36
mua-3	P34576-2	0,007093455	0,807	FALSE	FALSE	-2,99	1,57	-1,42
vit-6	P18948-2	1,80874E-05	0,24	FALSE	FALSE	-5,85	3,06	-2,78
vit-5	P06125	0,000403626	0,576	FALSE	FALSE	-5,92	3,1	-2,82